**DOSTAWA ODCZYNNIKÓW DO RUTYNOWYCH OZNACZEŃ TECHNIKĄ SEKWENCJONOWANIA NASTĘPNEJ GENERACJI (NGS)**

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| *Lp.* | *Opis przedmiotu zamówienia* | | *wielkość opakowania lub j.m.* | *Ilość wymagana* | *Nazwa oferowanego produktu* | *Numer katalogowy* | *Producent oferowanego produktu* | *cena jednostkowa netto* | *wartość netto PLN* | *VAT %* | *wartość brutto PLN* |
|  | *1* | | *2* | *3* | *4* | *5* | *6* | *7* | *8* | *9* | *10* |
| 1 | Zestaw odczynników do przygotowywania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych oraz oceny ekspresji dla co najmniej 25 genów powiązanych z rozwojem mięsaków człowieka. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 12 |  |  |  |  |  |  |  |
| 2 | Zestaw odczynników do przygotowywania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych oraz oceny ekspresji dla co najmniej 60 genów powiązanych z rozwojem mięsaków człowieka. Zestaw pozwala na analizę mutacji m.in genów: NTRK1, NTRK2, NTRK3, ALK, RET, ROS1, BRAF, CSF1, ERG, ESR oraz EGRF1, EGFR2 i EGFR3 i MET. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 4 |  |  |  |  |  |  |  |
| 3 | Zestaw odczynników do przygotowywania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych oraz oceny ekspresji dla co najmniej 30 genów powiązanych z patogenezą nowotworów płuc i tarczycy. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 52 |  |  |  |  |  |  |  |
| 4 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu analizy sekwencji i identyfikacji mutacji w co najmniej 30 genach powiązanych z patogenezą nowotworów płuc i tarczycy. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS). Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 15 |  |  |  |  |  |  |  |
| 5 | Zestaw odczynników do przygotowywania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych oraz oceny ekspresji dla co najmniej 125 genów człowieka uznawanych za powiązane z rozwojem chłoniaków. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 6 |  |  |  |  |  |  |  |
| 6 | Zestaw odczynników do przygotowywania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych oraz oceny ekspresji dla co najmniej 15 genów człowieka (m.in. EGFR, NTRK1, NTRK2, NTRK3, ERBB2 i PIK3CA), które powiązane są z rozwojem nowotworów płuc. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 7 | Zestaw odczynników do przygotowania preparatów wolnego pozakomórkowego DNA (cfDNA/ctDNA) w celu identyfikacji mutacji w co najmniej 25 genach przyczyniających się do rozwoju nowotorów oraz procesu lekooporności. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS). Minimalna ilość materiału biologicznego wymagana do przeprowadzenia analizy pojedynczej próby nie większa niż 10 ng DNA. Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 8 | Zestaw odczynników do przygotowywania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych oraz oceny ekspresji dla nie mniej niż 50 genów człowieka uznawanych za powiązane z rozwojem guzów nowotworowych. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 9 | Zestaw odczynników do przygotowywania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych oraz oceny ekspresji dla nie mniej niż 120 genów człowieka uznawanych za powiązane z rozwojem guzów nowotworowych, w tym geny : AKT1, AKT2, AKT3, KIT , MDM2, MYC i RAD51B). Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 10 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu identyfikacji mutacji punktowych, insercji/delecji, zmiany liczby kopii w obrębie co najmniej 60 genów powiązanych z patogenezą guzów litych. Zestaw pozwalający na jednoczesne przygotowanie 8 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS). Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 11 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu identyfikacji mutacji germinalnych w obrębie regionów kodujących genów BRCA1, BRCA2 oraz PALB2. Zestaw pozwalający na przygotowanie 16 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 12 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu identyfikacji mutacji somatycznych w obrębie regionów kodujących genów BRCA1 i BRCA2. Zestaw pozwalający na przygotowanie 16 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS). Zestaw odczynników zapewniających wydajne przygotowanie bibliotek także z preparatów DNA pozyskanych z tkanek utrwalonych (FFPE).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 13 | Zestaw odczynników do oceny jakości i stopnia degradacji DNA izolowanego z materiału utrwalonego (FFPE) przed przygotowaniem bibliotek NGS i służących do identyfikacji mutacji somatycznych i/lub germinalnych. Zestaw pozwala na ocenę do 16 prób. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 14 | Zestaw odczynników do oceny jakości i integralności RNA izolowanego z tkanek utrwalonych (FFPE) przed przygotowaniem bibliotek NGS służących do identyfikacji fuzji genów i mutacji. Zestaw pozwala na ocenę do 16 prób. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 15 | Zestaw odczynników do przygotowania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych, mutacji punktowych oraz oceny poziomu ekspresji dla przynajmniej 180 genów związanych z nowotworami limfatycznymi i szpikowymi. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 16 | Zestaw odczynników do przygotowania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych, mutacji punktowych oraz oceny poziomu ekspresji dla przynajmniej 80 genów związanych z rozwojem ostrej białaczki limfoblastycznej. Zestaw pozwalający na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 17 | Zestaw odczynników do przygotowania prób RNA w celu jednoczesnej identyfikacji fuzji genowych, mutacji punktowych oraz oceny poziomu ekspresji dla przynajmniej 80 genów związanych z patogenezą nowotworów szpiku kostnego. Zestaw pozwalający na jednoczesne przygotowanie 8 prób w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 18 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu identyfikacji mutacji w co najmniej 70 genach powiązanych m.in. z nowotworami mielodysplastycznymi i mieloproliferancyjnymi. Zestaw pozwala na jednoczesne przygotowanie 8 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS). Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 19 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu identyfikacji mutacji punktowych, insercji/delecji, zmiany liczby kopii w obrębie co najmniej 180 genów powiązanych z patogenezą guzów litych, w tym geny: DICER1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, MTOR, RICTOR oraz TERT. Zestaw umożliwiający ocenę sygnatury genomowej MSI. Zestaw pozwalający na jednoczesne przygotowanie 8 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS).  Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 20 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu identyfikacji mutacji w autorskim zestawie 21 genów wskazanych przez Zamawiającego. Lista genów obejmuje sekwencje, w obrębie których mutacje powiązane są z rozwojem nowotworów ginekologicznych. Zestaw umożliwający ocenę sygnatury genomowej MSI. Odczynniki dostarczane w formacie pozwalającym na przygotowanie 48 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS). Zestaw umożliwia wykonanie analizy transzami, po 8 prób. Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 21 | Zestaw odczynników do przygotowania prób DNA w celu identyfikacji mutacji w autorskim zestawie 13 genów wskazanych przez Zamawiającego. Lista genów obejmuje sekwencje, w obrębie których mutacje powiązane są z rozwojem nowotworu endometrium. Zestaw umożliwiający ocenę sygnatury genomowej MSI. Odczynniki dostarczane w formacie pozwalającym na przygotowanie 48 prób DNA w celu ich dalszej analizy w technologii sekwencjonowania przez syntezę (SBS). Zestaw umożliwia wykonanie analizy transzami, po 8 prób.Odczynniki dostarczane w formie porcjonowanego liofilizatu umieszczonego w docelowych probówkach PCR. | | zestaw | 1 |  |  |  |  |  |  |  |
| 22 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od A1 do A8. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 23 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od A9 do A16. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 24 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od A17 do A24. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 25 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od A25 do A32. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 26 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od A33 do A40. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 27 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorow Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od A41 do A48. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 28 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od A1 do A48. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 29 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od B1 do B48. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 30 | Sekwencje znacznikowe i adaptorowe dla sekwenatorów Illumina (sekwenator w posiadaniu Zamawiającego) przeznaczone do dwustronnego wyznakowania materiału genetycznego w każdej z prób; sekwencje wymagane do przygotowania bibliotek w technologii Anchored Multiplex PCR. Pula kombinacji znaczników od C1 do C48. | | zestaw | 5 |  |  |  |  |  |  |  |
| 31 |  | **RAZEM** | | | | | | | \* |  | \* |

\*Wykonawca dokonuje obliczenia ceny zgodnie ze wskazaniem w kolumnach, rozpoczynając od ceny jednostkowej netto, zaokrągla liczby do dwóch miejsc po przecinku za każdym razem. Podsumowanie kolumny 9 w pozycji 31 jest ceną oferty. Podana cena jednostkowa musi zawierać wszystkie elementy, o których mowa w SWZ wraz z załącznikami. Wartość netto oraz brutto (kol. 8 i 10 tabeli) należy wpisać do formularza ofertowego. Będzie ona stanowiła cenę oferty służącą do porównania i oceny ofert.

**UWAGA:**

**1. Zamawiającym zaleca przed podpisaniem, zapisanie dokumentu w formacie .pdf**

**2. Dokument musi być opatrzony przez osobę lub osoby uprawnione do reprezentowania wykonawcy, kwalifikowanym podpisem elektronicznym i przekazany Zamawiającemu wraz z dokumentem (-ami) potwierdzającymi prawo do reprezentacji Wykonawcy przez osobę podpisującą ofertę.**